



Factores con forcats :: HOJA DE REFERENCIA

El paquete **forcats** provee herramientas para trabajar con factores, la estructura de datos de R para datos categóricos.

Factores

R representa datos categóricos con factores. Un **factor** es un vector de enteros con un atributo de **niveles** que guarda mapeos entre enteros y valores categóricos. Cuando ves un factor, R no muestra enteros, sino los valores asociados con ellos.

`factor(x = character(), levels, labels = levels, exclude = NA, ordered = is.ordered(x), nmax = NA)` Convierte un vector a un factor. También **as_factor**.
`f <- factor(c("a", "c", "b", "a"), levels = c("a", "b", "c"))`

`levels(x)` Devuelve/fija los niveles de un factor. `levels(f); levels(f) <- c("x", "y", "z")`
`Usa unclass() para ver su estructura`

Examina Factores

`fct_count(f, sort = FALSE)` Cuenta el número de valores de cada nivel. `fct_count(f)`

`fct_unique(f)` Devuelve los valores únicos, removiendo duplicados. `fct_unique(f)`

Combina Factores

`fct_c(...)` Combina factores con niveles distintos.
`f1 <- factor(c("a", "c"))`
`f2 <- factor(c("b", "a"))`
`fct_c(f1, f2)`

`fct_unify(fs, levels = lvl_union(fs))` Estandariza niveles en una lista de factores.
`fct_unify(list(f2, f1))`



Cambia el orden de los niveles

`fct_relevel(.f, ..., after = 0L)` Reordena niveles manualmente.
`fct_relevel(f, c("b", "c", "a"))`

`fct_infreq(f, ordered = NA)` Reordena niveles por la frecuencia con la que aparecen en los datos (mayor frecuencia primero).
`f3 <- factor(c("c", "c", "a"))`
`fct_infreq(f3)`

`fct_inorder(f, ordered = NA)` Reordena niveles por el orden en el cual aparecen en los datos.
`fct_inorder(f2)`

`fct_rev(f)` Ordena los niveles en reversa.
`f4 <- factor(c("a", "b", "c"))`
`fct_rev(f4)`

`fct_shift(f)` Desplaza niveles a izquierda o derecha en forma envolvente.
`fct_shift(f4)`

`fct_shuffle(f, n = 1L)` Permuta el orden de los niveles al azar.
`fct_shuffle(f4)`

`fct_reorder(.f, .x, .fun=median, ...)` Reordena los niveles según su asociación con otra variable.
`boxplot(data = iris, Sepal.Width ~ fct_reorder(Species, Sepal.Width))`

`fct_reorder2(.f, .x, .y, .fun = last2, ...)` Reordena niveles por su valor final cuando se grafican con otras dos variables.
`ggplot(data = iris, aes(Sepal.Width, Sepal.Length, color = fct_reorder2(Species, Sepal.Width, Sepal.Length))) + geom_smooth()`

Cambia el valor de los niveles

`fct_recode(.f, ...)` Cambia manualmente los niveles. También **fct_relabel** que tiene sintaxis de purrr::map para aplicar una función o expresión a cada nivel.
`fct_recode(f, v = "a", x = "b", z = "c")`
`fct_relabel(f, ~ paste0("x", .x))`

`fct_anon(f, prefix = "")` Anonimiza niveles con números enteros al azar. `fct_anon(f)`

`fct_collapse(f, ...)` Colapsa niveles en grupos definidos manualmente.
`fct_collapse(f, x = c("a", "b"))`

`fct_lump(f, n, prop, w = NULL, other_level = "Other", ties.method = c("min", "average", "first", "last", "random", "max"))` Combina niveles menos o más comunes en un único nivel. También **fct_lump_min**.
`fct_lump(f, n = 1)`

`fct_other(f, keep, drop, other_level = "Other")` Reemplaza niveles con "other." `fct_other(f, keep = c("a", "b"))`

Agrega o descarta niveles

`fct_drop(f, only)` Descarga niveles no usados.
`f5 <- factor(c("a", "b"), c("a", "b", "x"))`
`f6 <- fct_drop(f5)`

`fct_expand(f, ...)` Agrega niveles a un factor. `fct_expand(f6, "x")`

`fct_explicit_na(f, na_level = "(Missing)"')` Asigna un nivel a NAs para incluirlos, por ejemplo en gráficos.
`fct_explicit_na(factor(c("a", "b", NA)))`